

MATTIA CREMONA

Attività scientifiche

Gennaio 2005 ad oggi: Borsa di studio c/o Istituto Nazionale dei Tumori - Meccanismi Molecolari di crescita e progressione tumorale (Direttore Prof. Marco Pierotti), Milano.

Ottobre 2004-Dicembre 2004: Collaborazione c/o Istituto Nazionale dei Tumori - Meccanismi Molecolari di crescita e progressione tumorale (Direttore Prof. Marco Pierotti), Milano.

Maggio 2004-settembre 2004: Stage per la preparazione della tesi finale del Master presso l'Università dell'Insubria, Varese; condotto sotto la supervisione del Prof. Francesco Acquati (Università dell'Insubria) per la parte biologica ed il Dott. Alessandro Guffanti (IFOM, Milano) per la parte informatica.

Ottobre 2003-Maggio 2004: Frequentazione dei corsi del Master universitario di primo livello in Bioinformatica c/o Università degli studi di Milano Bicocca, Dip. di biotecnologie e bioscienze, Milano

Agosto 2002-Ottobre 2003: Borsa di studio c/o Fondazione Centro S.Raffaele del Monte Tabor - DIBIT - Stem Cell Research Institute (Direttore Prof. Giulio Cossu), Milano

2000-2002: Studente di biologia c/o Università dell' Insubria, Dip di Biologia Strutturale e Funzionale - Laboratori di genetica umana (Direttore Prof. Roberto Taramelli), Varese

Diplomi di Studio

Università degli Studi di Milano Bicocca, Milano, Italia
Certificato di frequenza Master in Bionformatica, 2004

Università degli Studi dell'Insubria, Varese, Italia
Abilitazione iscrizione all'albo, 2002

Università degli Studi dell'Insubria, Varese, Italia
Laurea in biologia (indirizzo biotecnologico), 2002 - 110/110 cum laude
Tesi di laurea: "Caratterizzazione citogenetica fine del breakpoint sui cromosomi 10 e 21 nella traslocazione $t(10;21)(q23.1;q11.2)$ osservata in un soggetto affetto da una rara cardiopatia congenita" relatore Prof. Antonella Russo

Liceo. E. Cairoli, Varese Italia
Diploma di maturità classica, 1995 - 52/60

Lingue e conoscenze informatiche

Italiano madrelingua

Buona conoscenza della lingua inglese raggiunta attraverso molti anni di studi privati e un soggiorno in Scozia di un mese.

Eccellente conoscenza del hardware PC e del software (OS 9x- NT/2000-XP-Microsoft Office)

Buona conoscenza dei sistemi MAC e LINUX

Ottima conoscenza linguaggio PERL e della implementazione dei moduli del BIOPERL

Buona conoscenza del linguaggio MatLab

Conoscenze tecniche di laboratorio

Tecniche di biologia molecolare incluse PCR, RT-PCR, southern blotting, northern blotting, band shift,

phage library screening, cloning, site direct mutagenesis, estrazione di DNA e RNA . Topi transgenici .

Handling and care di topi. Mantenimento e manipolazione di differenti tipi di linee cellulari. Trasfezioni

di colture cellulari. Immunofluorescenza e Ibridazione in sito fluorescente (FISH).

Conoscenze bioinformatiche

Ottima conoscenza dei due principali sistemi di retrieval: SRS e Entrez.

Ottima conoscenza delle banche dati primarie e delle principali banche dati specializzate tra cui:

EMBL datalibrary, GeneBank, DDBJ, SWISSPROT, InterPRO, CATH, SCOP, LocusLink, COGs, UniGENE,

GEO, KEGG, OMIM.

Ottima conoscenza dei principali algoritmi di allineamento nucleotidico e amminoacidico e delle tecniche di

parsing e gestione delle sequenze.

Buona conoscenza del DBMS (Data Base Management System), del linguaggio SQL e della creazione e

gestione di database relazionali in Access (windows) e MySQL (Linux).

Buona conoscenza della teoria delle reti neurali decisionali e del data mining e dell'utilizzo di tools di

classificazione (Weka, Bayda, B-Course, Neural Network toolbox del linguaggio MatLab)

Pubblicazioni

Cremona M., Colombo E., Andreazzoli M., Cossu G., Broccoli V.

Bsx, an evolutionary conserved Brain Specific homeobox gene expressed in the septum, epiphysis,

mammillary bodies and arcuate nucleus.

Gene Expr Patterns 2004 Jan;4(1):47-51